

Brasília, 02 de Novembro de 2021

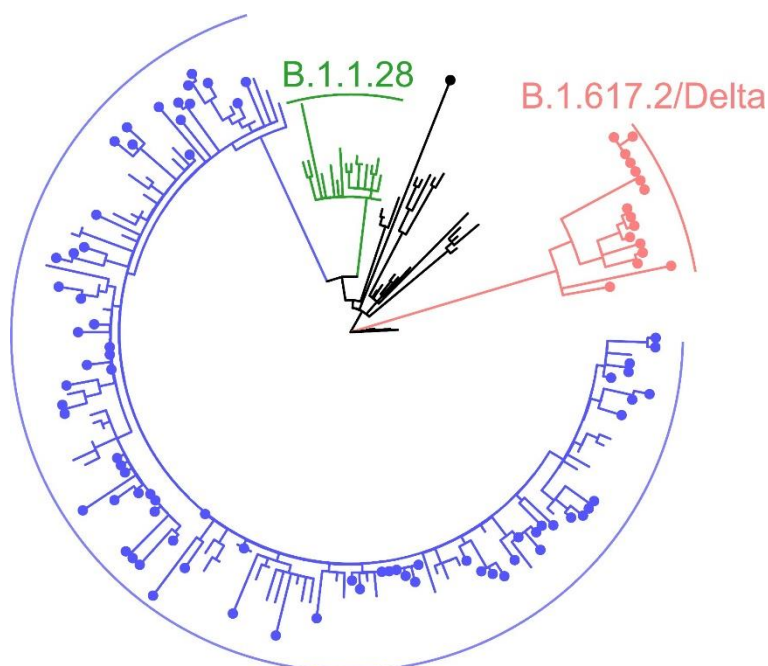
INFORME Nº 39 REDE CORONA-ÔMICA.BR-MCTI

Corona-ômica BR MCTI identifica a linhagem DELTA do vírus SARS-CoV-2 no estado Acre.

O Laboratório de Bioinformática (LABINFO) do Laboratório Nacional de Computação Científica (Petrópolis-RJ), um instituto de pesquisa do Ministério de Ciência e Tecnologia(MCTI), em colaboração com Centro de Infectologia Charles Mérieux/Laboratório Rodolphe Mérieux, FUNDHACRE e o LACEN - Laboratório Central de Saúde Pública do Acre vem informar que foi realizado sequenciamento genético de 95 amostras do vírusSARS-CoV-2. As amostras foram coletadas entre 21 de janeiro e 9 de outubro no Estadodo Acre.

Apesar da maior parte das amostras são da linhagem Gamma – (75 genomas), foram identificadas dezesseis amostras da linhagem DELTA sendo 14 (B.1.167.2), 1 (AY.3) e 1 (AY.43) coletadas entre o período de 25 de agosto a 09 de outubro (Figura 1). Esta proporção ainda reduzida quando comparada com outros estados do Brasil indica que o espalhamento dessa variante ainda está em andamento. Por este motivo, sugerimos que sejam tomadas medidas de contenção da variante assim como acompanhamento intenso para evitar que ela se torne dominante. Foram ainda caracterizadas as P.1.4 (1)P.1.7 (2), C.37 (1).

Devido ao fato de a linhagem DELTA representar cerca de 16% das amostras coletadas aleatoriamente no período no Estado do Acre, fazemos este comunicado ao mesmo tempo que as análises ainda estão sendo finalizadas. Em breve os genomas serão depositados em bases de dados públicas e o trabalho será submetido em periódico internacional.



P.1 e sublinhagens/Gamma

Figura 1. Árvore filogenética indicando a relação evolutiva entre as novas amostras (ramos com pontos) e as sequências disponíveis na base de dados GISAID oriundas do Acre.

Segundo a coordenadora do Laboratório de Bioinformática do LNCC, Ana Tereza Vasconcelos, os dados gerados neste trabalho aumentam o número de amostras depositadas em bases públicas do estado do Acre). Alerta ainda, que estudos sobre a dispersão do Sars-Cov-2 são extremamente importantes para a segurança de todos.