

Belo Horizonte, 09 de maio de 2022

INFORME Nº 11 REDE CORONA-ÔMICA.BR-MCTI

Informe vigilância Genômica - Detecção de Variante de preocupação BA.2.12.1 do SARS-CoV2 em MG

A equipe do CTVacinas da Universidade Federal de Minas Gerais, integrante da Rede Vírus-MCTI e da Rede Corona-Ômica BR-MCTI, tem buscado a caracterização de variantes do SARS-CoV-2 *utilizando a metodologia de Sanger*. O sequenciamento de amplicons correspondentes à porção ligante ao receptor celular da proteína Spike permite a identificação de mutações específicas presentes em variantes de preocupação (VOC's) circulantes em vários países e que resultam em mudanças de aminoácidos nessa porção da proteína. Análises recentes de 3 amostras de swab nasofaríngeo de indivíduos testados positivos por RT-PCR, oriundas da cidade de Belo Horizonte, Minas Gerais, revelaram a presença das mutações características da variante BA.2.12.1, originalmente isolada na América do Norte.

Recomendamos, portanto, que as providências cabíveis sejam tomadas pelos órgãos estaduais e federais competentes no controle da dispersão das variantes do SARSCoV-2 em território brasileiro.

Número interno	Sexo	Cidade	Genótipo	Data da coleta
CT2328	Masculino	Belo Horizonte	BA.2.12.1	02/05/2022
CT2329	Feminino	Belo Horizonte	BA.2.12.1	02/05/2022
CT2345	Feminino	Belo Horizonte	BA.2.12.1	03/05/2022