

Belo Horizonte, 21 de outubro de 2021

INFORME Nº 38 REDE CORONA-ÔMICA.BR-MCTI

Informe vigilância Genômica - Detecção de Variante de SARS-CoV2 em MG

A equipe do CT Vacinas da Universidade Federal de Minas Gerais, integrante da Rede Vírus-MCTI e da Rede Corona-Ômica BR-MCTI, tem buscado a caracterização de variantes do SARS-CoV-2 utilizando a metodologia de Sanger. O sequenciamento de amplicons correspondentes à região codificadora da porção ligante ao receptor celular (RBD) da proteína Spike permite a identificação de mutações específicas presentes em variantes de preocupação (VOC's) circulantes em vários países e que resultam em várias mudanças de aminoácidos nessa porção da proteína. Recentes análises de 10 amostras de swab nasofaríngeo, provenientes de indivíduos infectados oriundas de diferentes cidades do Estado de Minas Gerais revelaram a presença das mutações características da variante delta (B.1.617.2), originalmente isolada na Índia, além de mutações que caracterizam as variantes gama (P.1) e gama plus (P.1, com mutação adicional na posição P681H) cuja ampla circulação já havia sido confirmada em Minas Gerais.

Recomendamos portanto, que as providências cabíveis sejam tomadas pelos órgãos estaduais e federais competentes no controle da dispersão das variantes do SARSCoV-2 em território brasileiro e agradecemos a colaboração dos laboratórios da FUNED que forneceram as amostras para esse estudo.

Nº interno	Nº GAL	Cidade	Genótipo	Data da Coleta
FN8820	210605026609	VARGINHA	DELTA	18/09/2021
FN8825	210605026552	MONSENHOR PAULO	DELTA	17/09/2021
FN9076	210603005987	CABO VERDE	DELTA	29/09/2021
FN9115	210604006190	CASSIA	DELTA	05/10/2021
FN9116	210604006189	CASSIA	DELTA	05/10/2021
FN9155	210604006155	PASSOS	DELTA	04/10/2021
FN9157	210604006153	PASSOS	DELTA	04/10/2021
FN9159	210604006151	PASSOS	DELTA	05/10/2021
FN9162	210604006202	PASSOS	DELTA	06/10/2021
FN8917	210307009398	SIMONESIA	P1 PLUS	20/09/2021

Rede Corona-Ômica.BR-MCTI
